

Obrony

| Lp. | Dzień | Godzina | Sala | Temat | Promotor | Recenzent | Przewodniczący |
|-----|------------|---------|---------|--|------------------------------------|------------------------------------|--------------------------------------|
| 1 | 2025-02-06 | 13:00 | 44 | Drug-response prediction in IBD patients using gene expression data | dr inż. Maciej Piernik | dr hab. inż. Dariusz Brzeziński | dr hab. inż. Izabela Szczęch |
| 2 | 2025-02-06 | 14:45 | 2.6.21 | Wdrożenie miar podobieństwa strukturalnego jako rozwiązania serverless | dr hab. inż. Tomasz Żok | prof. dr hab. inż. Marta Szachniuk | dr. hab.inż. Agnieszka Rybarczyk |
| 3 | 2025-02-06 | 13:00 | 2.6.21 | Analiza wpływu SNP na strukturę RNA | dr hab. inż. Tomasz Żok | dr. hab. inż. Maciej Antczak | prof. dr hab. inż. Marta Szachniuk |
| 4 | 2025-02-07 | 13:00 | Trójkąt | Porównanie różnych metod klastrowania danych genomicznych w językach R i Python | dr hab. inż. Aleksandra Świercz | dr inż. Marcin Borowski | prof. dr hab. inż. Marta Kasprzak |
| 5 | 2025-02-06 | 13:00 | 2.6.20 | Platforma do konfigurowania zestawów komputerowych | dr hab. inż. Piotr Zielniewicz | dr inż. Wojciech Complak | dr inż. Rafał Walkowiak |
| 6 | 2025-02-06 | 14:45 | 2.6.20 | Sensemap - mapa internetowa dla osób z niepełnosprawnościami oraz wrażliwych sensorycznie | dr hab. inż. Piotr Zielniewicz | dr inż. Wojciech Complak | prof. dr hab. Andrzej Marciniak |
| 7 | 2025-02-07 | 11:15 | Trójkąt | Analiza deregulowanych mRNA w publicznie dostępnych danych RNA-Seq | dr Arkadiusz Kajdasz | dr hab. inż. Aleksandra Świercz | prof. dr hab. inż. Marta Kasprzak |
| 8 | 2025-02-06 | 11:15 | 2.6.20 | Algorytmy analizy przestrzeni stanów dla sieci Petriego | dr inż. Marcin Radom | dr hab. inż. Agnieszka Rybarczyk | prof. dr hab. inż. Piotr Formanowicz |
| 9 | 2025-02-06 | 9:30 | 2.6.21 | Wizualizacja sieci interakcji w strukturze 3D RNA | prof. dr hab. inż. Marta Szachniuk | dr hab. inż. Tomasz Żok | prof. dr hab. inż. Piotr Formanowicz |
| 10 | 2025-02-07 | 13:00 | 2.6.20 | Lokalna ocena jakości modeli 3D RNA | prof. dr hab. inż. Marta Szachniuk | dr hab. inż. Maciej Antczak | dr inż. Maciej Machowiak |
| 11 | WTCh | | | Analiza danych pozyskanych z testów biochemicznych szczepów bakteryjnych poddanych działaniu bioacydów | dr hab. inż. Wojciech Smulek | | |
| 12 | 2025-02-07 | 9:30 | 2.6.20 | Tool supporting the visualization of DNA methylation data in the genomic context | dr hab. Agnieszka Żmieńko | dr inż. Paweł Wojciechowski | dr hab. inż. Aleksandra Świercz |
| 13 | 2025-02-07 | 9:30 | Trójkąt | Analiza deregulowanych mikroRNA w publicznie dostępnych danych RNA-Seq | dr Arkadiusz Kajdasz | dr inż. Amanda Pacholak | prof. dr hab. inż. Marta Kasprzak |
| 14 | X | X | X | Wizualizacja białek na podstawie danych uzyskanych z badań krystalograficznych | dr inż. Witold Andrzejewski | X | X |
| 15 | WTCh | | | Badania oddziaływania substancji bioaktywnych z modelową błoną komórkową - eksperyment i symulacja | dr hab. inż. Katarzyna Dopierała | | |